

## ■ Zusammenarbeit

## Modifikationen schnell identifizieren

Dortmund, Genf/Schweiz – Protagonen und Geneva Bioinformatics (GeneBio) haben eine Vertriebsvereinbarung geschlossen. GeneBio wird zukünftig Protagonens Software Modiro zur schnellen und automatisierten Identifizierung post-translatiöner Proteinmodifikationen in MS/MS-Datensätzen weltweit vertreiben. Gleichzeitig sollen im Zuge einer engen Zusammenarbeit die Modiro-Funktionen nahtlos in GeneBio's Phenyx Software-Plattform für massenspektrometrische Datenanalysen integriert werden. Post-translationalen Modifikationen (PTM) modulieren die Aktivität der meisten Proteine. Die differenzierte Analyse dieser Veränderungen ist bei der Erforschung und Entwicklung neuer Wirkstoffkandidaten von steigender Bedeutung. Modiro ermöglicht es Wissenschaftlern, deutlich mehr dieser kritischen Modifikationen zu identifizieren, da der zugrunde liegende Algorithmus mehr essenzielle Informationen aus vorliegenden Massenspektrometriedaten generiert. Durch die automatisierte Identifikation der PTMs werden Zeit und Aufwand verkürzt. *ott*

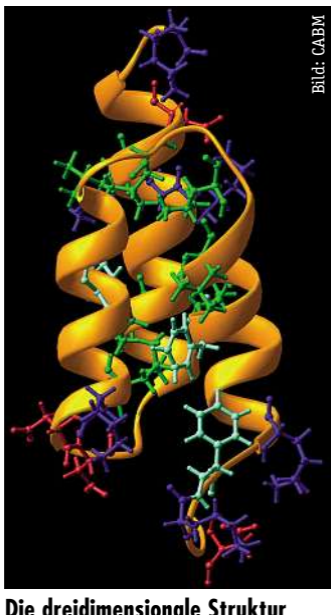


Bild: CABM

**Die dreidimensionale Struktur einer Proteindomäne von Staphylococcus.**